

1 Juillet 2016

## CNRS UMR8199

### Ingénieur(e) en Biostatistique et Analyse de Données Génétiques

Contrat CDD de 1 an à temps plein (renouvelable)

**Qui sommes-nous?** L'unité CNRS UMR8199 est un laboratoire de recherche regroupant 50 personnes dirigées par le Professeur Philippe FROGUEL. Elle fait partie avec l'Institut Européen de Génomique du Diabète (EGID) et a été lauréate en 2011 des appels à projets « Laboratoire d'Excellence » et « Equipement d'Excellence » (EQUIPEX LIGAN MP).

**Que faisons-nous?** Nos activités de recherche portent sur la caractérisation de variations génétiques associées à des maladies métaboliques telles le diabète et l'obésité et utilisent les approches modernes de génomique, bioinformatique, biostatistique, biologie moléculaire et modèles animaux.

**Qui êtes-vous?** Le/la collaborateur/collaboratrice recherché(e) interviendra en amont (design expérimental, calcul de puissance) et en aval des études de type omiques et biologiques réalisées par le laboratoire. Il ou elle participera grâce à ses connaissances en statistiques et en analyse des données à répondre à des questions de recherche variées.

#### PROFIL SOUHAITÉ :

- Formation supérieure (BAC+5 ou ingénieur) ou doctorale en biostatistique – Expérience souhaitable, débutants acceptés selon profil.
- Maîtrise du langage R ([www.r-project.org/](http://www.r-project.org/)) avec ses outils de visualisation des données (p.ex. shiny), ainsi que d'autres langages comme PERL ou Python. La connaissance du langage C/C++ serait un atout.
- Connaissances des outils bio-informatiques tels que les banques de séquences biologiques serait un atout.
- Bonne connaissance de l'environnement Unix/Linux.
- Connaissances dans le domaine de la génétique serait un atout.
- Maîtrise écrite et orale de l'anglais.
- Qualités organisationnelles (autonomie, respect des délais, anticipation des sources de retards, etc), présentation synthétique et didactique des résultats scientifiques.
- Bonne communication générale.

#### ACTIVITÉS DOMINANTES :

- Réalisation et interprétation des analyses statistiques utilisées dans les études génétiques (régressions logistiques, régressions linéaires, analyses de survie, analyses de variance, score génétique).
- Création de nouveaux outils en biostatistique (« packages R ») afin de réaliser des analyses personnalisées à haut débit.
- Développement de support de présentation de résultats via « shiny » sur le logiciel R.
- Production de figures et de tables sur mesure pour des articles scientifiques.
- Rédaction des sections des articles scientifiques liées à la méthodologie statistique.
- Participation à la veille technique.

**DÉMARRAGE DU CONTRAT :** Septembre 2016

#### Conditions de Candidature :

*Envoi d'un CV et d'une lettre de motivation par courrier ou courriel à Mickaël CANOUIL :*

**CNRS UMR8199**  
**Institut de Biologie de Lille**

1 rue du Professeur Calmette

BP 245

F-59019 Lille CEDEX

mickael.canouil@cnrs.fr

<http://www-good.ibl.fr/>

<http://www.egid.fr/>